

Mgr. Iva Kulichová

Iva.Kulichova@gmail.com

VZDĚLÁNÍ

- 2016 – **Univerzita Karlova, Přírodovědecká fakulta, Praha, Česká republika**
Doktorský studijní program Antropologie a genetika člověka
Dizertační práce: Genetická variabilita mitochondriální DNA a adaptace v africkém sahelu
- 2014 – 2016 **Univerzita Karlova, Přírodovědecká fakulta, Praha, Česká republika**
obor Antropologie a genetika člověka, získaný titul Mgr.
Diplomová práce: Populace afrického sahelu pohledem fylogeografie eurasijských mtDNA haploskupin
- 2011 – 2014 **Univerzita Karlova, Přírodovědecká fakulta, Praha, Česká republika**
obor Molekulární biologie a biochemie organismů, získaný titul Bc.
Bakalářská práce: Mutační rychlosti a šíření lidských populací
- 2006 – 2011 **Gymnázium J. G. Tajovského, Banská Bystrica, Slovensko**
bilingvní francouzsko-slovenská sekce
- 2008 – 2009 **Lycée Ernest Pérochon, Parthenay, Francie**

PRACOVNÍ ZKUŠENOSTI

- 10/2015 – 12/2016 **Archeologický ústav AV ČR, Praha, v.v.i., Česká republika**
Laboratoř archeogenetiky, úvazek v rámci grantu „Genetické otisky potravně produkčních systémů u lidských populací (GA13-37998S)“ (hlavní řešitel: doc. Mgr. Viktor Černý, Dr.)

STÁŽE A KURZY

- 11/2016 **Institute of Molecular Pathology and Immunology at the University of Porto (IPATIMUP), Porto, Portugalsko**
Datování mtDNA haploskupin a určování populační expanze za použití softwarů BEAST a PAML
- 9/2016 **Seqme s.r.o., Brno, Česká republika**
Dvoudenní kurz Next-Generation sekvenování zaměřený na plánování experimentů
- 11/2015 **Institute of Molecular Pathology and Immunology at the University of Porto (IPATIMUP), Porto, Portugalsko**
Datování mtDNA haploskupin za použití metody maximální věrohodnosti a ró statistiky

TERÉNNÍ VÝZKUM

- 01/2016 **Sběr dat v Timbi Tounni (odběr slin, vyplňování dotazníků atp.), Guinea, Afrika, v rámci grantu „Genetické otisky potravně produkčních systémů u lidských populací (GA13-37998S)“** (hlavní řešitel: doc. Mgr. Viktor Černý, Dr.) v spolupráci s Dr. Alioune Deme, Université Cheikh Anta Diop, Dakar, Senegal

11/2015 **Sběr dat v Praze (odběr slin, vyplňování dotazníků atp.) v rámci výzkumného projektu „Evoluce diverzity ADME genů u lidských populací“**, Department of Genetics and Evolution, University of Geneva, hlavní řešitelé: Dr. Estella Poloni, Méderic Mouterde

ZRUČNOSTI A DOVEDNOSTI

Laboratorní práce	Izolace DNA, Amplifikace DNA (PCR), Real time PCR, Elektroforéza, Sangerovo sekvenování, Fragmentační analýza, Next Generation Sequencing (Miseq Illumina)
IT	Microsoft Word, Microsoft Excel, Power Point, Internet/e-mail – uživatelská úroveň BioEdit Sequence Alignment Editor, Sequencher, mtDNA GeneSyn, HaploGrep, Arlequin, PAML, BEAST, GeneMapper
Jazykové znalosti	francouzsky jazyk – plynule, diplom DELF B2, obecná státní jazyková zkouška (úroveň C1 – C2), odborná státní jazyková zkouška pro obor přírodovědecký (úroveň C1) anglický jazyk – plynule, certifikát ze Státní jazykové školy: úroveň B1 – B2

KONFERENCE

11/2017 **Archeologie&Antropologie: studium archaické kultury a společnosti, 23. listopadu 2017, Národní muzeum Nová budova**
Václav Hrnčíř – Edita Priehodová – Martina Čížková – Iva Kulichová – Eliška Podgorná – Petr Květina – Viktor Černý: Cestovali tam a zase zpátky? Současný trend studia mobility minulých populací

PUBLIKACE

Kulichová I., Fernandes V., Deme A., Nováčková J., Stenzl V., Novelletto A., Pereira L., Černý V. Internal diversification of non-SubSaharan haplogroups in Sahelian populations and the spread of pastoralism beyond the Sahara. *American Journal of Physical Anthropology*, 2017, vol. 164, s. 424-434.

Čížková M., Munclinger P., Diallo M., **Kulichová I.**, Mokhtar M., Deme A., Pereira L., Černý V. Genetic Structure of the Western and Eastern African Sahel/Savannah Belt and the Role of Nomadic Pastoralists as Inferred from the Variation of D-Loop Mitochondrial DNA Sequences. *Human Biology*, 2017, vol. 89, s. 281-302.

Černý V., **Kulichová I.**, Poloni E.S., Nunes J.M., Pereira L., Mayor A., Sanchez-Mazas A. Genetic history of the African Sahelian populations. *HLA*, 2018 Mar;91(3):153-166.
